La secuenciación del genoma mejora la comprensión del mieloma múltiple

Printed from https://www.cancerquest.org/es/sala-de-prensa/2021/02/la-secuenciacion-del-genoma-mejora-la-comprension-del-mieloma-multiple on 05/07/2024

La secuenciación del genoma ofrece un enfoque único y convincente para la investigación del cáncer. Debido a que el cáncer es una condición en la que las funciones celulares normales se descomponen, el estudio de los patrones genéticos puede revelar mutaciones específicas que conducen a enfermedades específicas. Un estudio reciente publicado en Nature documenta la secuenciación genética de 38 casos diferentes de mieloma múltiple. Esta investigación descubrió varios paralelos notables. Casi la mitad de los casos tenían mutaciones en genes que implican la traducción de proteínas. También hubo casos significativos de mutaciones genéticas que implican metilación de histonas, coagulación sanguínea o señalización de NF-κB. Estos hallazgos demuestran el poder que ofrece la secuenciación del ADN como una forma de comprender el desarrollo del cáncer y mejorar su tratamiento.

Fuente
http://www.nature.com/nature/journal/v471/n7339/full/nature09837.html
Referencia
Obtenga más información sobre los genes cancerígenos